R语言中的基本数据结构

Alex / 2023-07-05 / free learner@163.com / learning-archive.org

总结一下R语言中的基本数据结构,包括向量和因子、矩阵和数组、列表和数据框,以及创建和索引方法。参考资料是*The Art of R Programming*的第2-6章的内容。我自己属于编程小白(虽然经常用R分析数据),理解上恐怕有很多错误,敬请指正。

一、向量和因子

在R语言中,向量(vector)是最基本的数据结构,比如, x <- 1 是只包含一个元素的向量而不是标量,其他数据结构都和向量有所关联。可以使用 x <- c(1,5,8) 来创建一个向量。使用中括号索引向量中的元素 x[1] 或 x[c(1,3)] ,索引从1开始而不是0。向量要求每个元素的数据类型是一致的,元素数据类型包括整数(integer)、双精度浮点数(double/numeric)、布尔类型(Boolean/logical)、字符或字符串(character)。比如, x <- c('abc','xyz') 就是一个包含字符元素的向量。除了使用数字进行索引,也可以用名字进行索引,比如, x <- c(a=1, b=5, c=8) 可以用 x[1] 或 x['a'] 索引第一个元素。另外,还需要注意的是, NA 用来表示缺失值,比如, x <- c(1, NA, 8) 或 x <- c('abc', NA, 'xyz') 均表示第二个元素缺失。

因子(factor)用来描述统计学上的类别数据(categorical data),比如,被试的性别。有时候类别数据会用数字来表示,比如用1表示男性、2表示女性,这个时候使用因子类型是重要的,否则使用统计模型可能会得到错误的结果(因为这些数字会当做连续变量)。使用 x <- factor(c(1,2,1,2)) 创建因子,使用 levels(x) 查看类别水平。其他和向量相同。

二、矩阵和数组

矩阵是数组(array)的一个特例,即二维数组,数组可以包含三个或以上的维度,比如, \times <-array(c(1:12), dim = c(2,2,3)) 创建了一个三维数组。可以使用三个数字来索引三维数组的元素 \times [1,2,3] 。不过要注意,在提取子数组或子矩阵的时候,如果某些维度为1,可能数据结构会自动变成矩阵或向量,可以使用 drop=FALSE 选项避免这一点,比如 \times [1,1,1,drop=FALSE] 。

三、列表

列表(list)形式上像向量,但是元素可以为不同的数据类型,比如, x <- list(v1=123, v2='abc', v3=TRUE),对于列表元素(也叫作成分),有三种索引方式: x[[1]]; x\$v1; x[['v1']]。注意如果是用[]索引,则返回的是子列表,比如 x[1]表示就是只包含一个成分的列表,而不是成分本身的数据结构了(这里每个成分是向量)。列表的成分可以是其他类型的数据结构,比如, x <- list(v1=matrix(1:9, nrow=3, ncol=3), v2=list(s1='abc', s2=TRUE)),列表 x 包含两个成分,第一个是矩阵,第二个成分是包含两个成分的列表,比如 x\$v2\$s1表示 'abc'。因为这个原因,列表又称为递归向量(recursive vector),而第一节里的向量称为原子向量(atomic vector)。

四、数据框

数据框(data.frame)本质上是列表,只是每个成分是一个元素数量相同的向量,比如, x <- data.frame(ID=c('S1','S2','S3'), Age=c(11, 33, 49), Sex=c('F','M','F')) 创建了包含三个成分的数据框。数据框在形式上像矩阵,因此数据框有四种索引方式, x[[1]]; x[['ID']]; x\$ID; x[,1],即除了列表的索引方式,还可以使用矩阵的索引方式。注意,在使用 data.frame() 时,字符向量会自动转换为因子类型,如果要避免这种转换,可以使用 stringAsFactors=FALSE 选项。